

第 14 回先端医療技術セミナー

参加
無料

次世代シーケンサー MiSeq を活用した腸内細菌叢 の解析とより効率的な運用について

次世代シーケンサーMiSeq システムは、微生物ゲノム解析のためのスピードと簡便性を併せ持つデスクトップ型シーケンサーで、16S メタゲノム解析に最適なシステムです。また最新の MiSeqV3 試薬では、1 ランで 15Gb を達成。2500 万のクラスター数と 300bp × 2 のリード長を実現しています。今回のセミナーでは MiSeq システムを用いた 16S アンプリコンシーケンスの手法と解析にフォーカスし、ご紹介させていただきます。

【日時・会場】

- ▶ 場所 香川大学医学部附属病院検査部 技師室
2014 年 11 月 13 日（木） 17:00 ~ 18:00

【スケジュール】

- 17:00~17:45 MiSeq を使用した 16SrRNA 解析による腸内細菌叢解析 (Web セミナー)
 - ・ライブラリ調整のご紹介
 - ・データ解析のご紹介
- 17:45~18:00 MiSeq を使用した際のランニングコストについて

連絡先 : 香川大学医学部附属病院先端医療開発センター
事務: 検査部 (clinilab@med.kagawa-u.ac.jp) 内線 3666